

بررسی ارتباط بین پلی مرفیسم ژن اینترفرون گاما با دیابت نوع ۱ در بیماران مراجعه کننده به مرکز تحقیقات غدد درون ریز و متاپولیسم در نیمسال اول ۸۲

محمد حسین نیکنام^{*}، علی رفیعی نژاد^۱، علی اکبر امیر زرگر^۱، فریده خسروی^۱، باقر لاریجانی^۱.

چکیده

مقدمه: دیابت نوع ۱ (T1 DM) بیماری خود ایمن مزمун و پیشرونده است که دراثر تخریب سلولهای بتای جزایر لانگرهانس با واسطه پاسخ های ایمنی پدید می آید. اتیولوژی دیابت نوع یک مانند دیگر بیماریهای خود ایمنی ناشناخته است و عوامل متعددی در بروز آن دخالت می کنند. هر دو نوع پاسخ ایمنی و هومورال و سلولی، در پاتوژنی بیماری نقش اساسی دارند. سیتوکاین ها به عنوان پیتیدهای ایمونومدولاتوری مسؤول بسیج سلول های ایمنی و تولید خودپادتن ها توسط سلولهای اجرایی هستند. برای ارزیابی نقش پلی مرفیسم ژنهای سایتوکاین ها در ایجاد حساسیت و یا مقاومت در برابر بیماری دیابت نوع ۱، ما γ IFN را انتخاب کردیم و همراهی پلی مرفیسم ژن آن را با T1DM بررسی کردیم.

روشها: در این بررسی ۳۰ بیمار مبتلا به T1DM و ۴۰ فرد سالم به عنوان گروه شاهد مورد مطالعه قرار گرفتند. تکنیک PCR جهت تعیین پلی مرفیسم ژن γ IFN بکار گرفته شد. جدا سازی DNA بر اساس روش salting out انجام گرفت. ژن γ IFN در موقعیت^۵ UTR+5644 بررسی شد نتایج حاصل از PCR به کمک ژل الکتروفورز ارزیابی گردید.

یافته ها: حاصل مطالعه ما نشان می دهد که بین گروه بیمار و گروه شاهد ما اختلاف معنی داری در بروز آلل TT ژن IFN γ وجود دارد. $p < 0.05$ و $RR: 0.39(0.22 < RR < 0.68)$ OR < 1 است، این رابطه از نوع منفی میباشد.

نتیجه گیری: در این مطالعه ما یک رابطه منفی بین ژن γ IFN در موقعیت^۵ UTR+5644 و بیماری دیابت نوع ۱ در گروه مورد بررسی یافته ایم و از این جهت می توان تصور کرد که که بروز آلل TT در ژن γ IFN می تواند از بروز دیابت جلوگیری کند.

کلید واژه ها: دیابت نوع ۱، پلی مورفیسم ژن، سیتوکاین ها

۱- گروه ایمونولوژی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی تهران

- استاد بیماریهای غدد و متاپولیسم، مرکز تحقیقات غدد درون ریز و متاپولیسم، دانشگاه علوم پزشکی تهران

*نشانی: تهران، بلوار کشاورز، خیابان قدس، خیابان پورسینا، دانشکده پزشکی، گروه ایمونولوژی

اغلب پلی مورفیسم‌های این ژنها در نواحی تنظیم کننده (ناحیه پروموتور، ایتررون‌ها، UTR' ۵' & ۳') اتفاق می‌افتد و می‌توانند در میزان ترشح سیتوکین‌ها و در نتیجه در روند بیماری و استعداد ابتلای شخص به بیماری اثر بگذارند [۹۸]. ما در مطالعه خود، ارتباط بین پلی مورفیسم ژن سیتوکین γ -IFN و دیابت نوع ۱ را بررسی می‌کنیم.

مقدمه

دیابت قندی شامل دسته‌ای از اختلالات متابولیک است که در آن کمبود انسولین، مقاومت به انسولین و افزایش تولید گلوکز باعث هیپرگلیسمی و عوارض متعدد آن می‌شود. شیوع این بیماری در سطح دنیا رو به افزایش است و احتمالاً یکی از علل مهم بیمارگینی (morbidity) و مرگ و میر باقی خواهد ماند. دو نوع اصلی آن، نوع ۱ و نوع ۲ است. در دیابت نوع ۱، عوامل ژنتیک، محیطی (مانند ویروس‌ها) و ایمونولوژیک باعث تخریب سلولهای بتای جزاير لانگرهانس پانکراس و کمبود مطلق انسولین می‌شوند [۱]. از عوامل ایمونولوژیک، ایجاد واکنش بیش حساسی تأخیری (delayed hypersensitivity) توسط سلولهای $\text{Th}1^+$ در برخورد با سلولهای $\text{CD}4^+$ خودپادشاهی (autoantigens) سلولهای بتا، سیتوکین‌های التهاب‌زا و خودپادتن (autoantibody)‌ها را می‌توان نام برد [۴-۲]. سیتوکین‌های التهاب‌زا در مراحل ابتدایی بیماری و پیدایش عوارض شدید آن نقش کلیدی بازی می‌کنند. از جمله این سیتوکین‌ها، ایترافرون گاما (IFN- γ) را می‌توان نام برد.

ایترافرون گاما گلیکوپروتئینی به وزن ۲۰ کیلو Dalton است که ژن آن روی کروموزوم ۱۲q14 واقع شده و دارای ۶ کیلو جفت باز است. این سیتوکین از سلولهای T و NK در پاسخ به تحريكات محیطی (نظیر ویروسها) ترشح شده و می‌تواند بر همه سلولها اثر بگذارد. از اعمال آن می‌توان تحریک ترشح ایمونوگلوبولین‌ها توسط سلولهای B ، افزایش بیان MHC II^{3} بر سطح سلولها، افزایش اپسونیزاسیون در ماکروفازها و قدرت کشندگی آنها و نیز تمایز سلولهای $\text{Th}1$ در اثر تحریک ترشح IL-2 را می‌توان نام برد [۵].

ژن IFN- γ و به طور کلی ژن سیتوکین‌ها و گیرنده‌های آنها و در نتیجه توالی (sequence) اسیدهای آmine آنها به ندرت دستخوش تغییرات (پلی مورفیسم) می‌شوند [۷,۶].

روشها

بیماران

سی بیمار مبتلا به دیابت نوع یک (۱۶ مؤنث و ۱۴ مذکر) از مرکز تحقیقات غدد و متابولیسم به طور تصادفی انتخاب شدند. مدت بیماری این افراد بین ۳ تا ۱۸ ماه بود. معیارهای ورود: کسانی که برای آنها توسط پزشک متخصص در درمانگاه مرکز تحقیقات طبق معیارهای NDDG^۱ آمریکا تشخیص دیابت نوع ۱ گذاشته شده بود. معیارهای خروج: کسانی که مایل به ورود به طرح نبودند. ۴۰ نفر سالم (بدون عالیم دیابت) به عنوان گروه شاهد به مطالعه ما وارد شدند.

روش بررسی:

(۱) استخراج DNA: سی سی از خون بیماران با ضدانعقاد EDTA ترکیب شده و جهت استخراج آن DNA از روش salting out استفاده شد [۱۰].

(۲) PCR-SSP Cytokine typing: برای این کار از روش PCR-SSP استفاده شد. دستگاه مورد استفاده ۹۶۰۰ PCR و کیت های آن PCR-SSP tray kit متعلق به دانشگاه هایدلبرگ آلمان بودند [۱۱].

مراحل PCR به ترتیب زیر انجام شدند: دناتوراسیون اولیه ۲ دقیقه در ۹۴ درجه؛ دناتوراسیون ۱۰ ثانیه در ۹۴ درجه؛ آنیلینگ (Anealing) و اکستنسیون (extension) ۱ دقیقه در ۶۵ درجه (۱۰ سیکل)؛ دناتوراسیون (Denaturation) ۱۰ ثانیه در ۹۴ درجه؛ آنیلینگ ۵ ثانیه در ۶۱ درجه؛ اکستنسیون ۳۰ ثانیه در ۷۲ درجه (۲۰ سیکل) (جدول یک).

^۱ National Diabetes Data Group

^۱ T helper cells

^۲ Natural killer cells

^۳ Major compatibility complex

موقعیت $5' \text{UTR} + 5644$ در گروه بیمار و شاهد به طریق شمارش ژنی مستقیم بررسی شد. یافته‌ها با استفاده از آزمون مجازورکای مقایسه شدند.

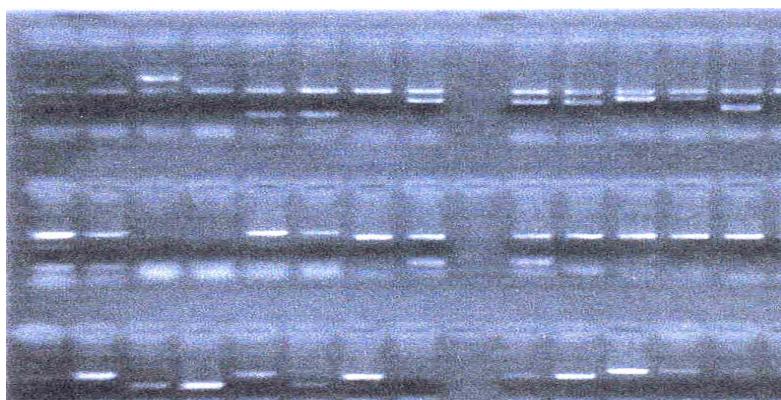
یافته‌ها

فرکانس آلل‌های A/T موقعیت $5' \text{UTR} + 5644$ در بیماران مبتلا به دیابت نوع ۱ و گروه شاهد در جدول و شکل دو نشان داده شده است.

برای موقعیت مورد مطالعه، یک جفت پرایمر مختص آن موقعیت و یک جفت پرایمر شاهد که قسمتی از ژن بتا گلوبولین یا ژن CRP را تکثیر می‌کند، لازم بود [۱۱].

توالی پرایمرها به قرار زیر است :

forward(5' GACATTCAACAATTGATTTATTCTT AC-3')
reverse(5' GCCTTCCTGTAGGGTATTATTATAAC-3')
برای مشاهده محصولات PCR ، الکتروفورز بر روی ژل آگاروز ۲٪ انجام شد. بعد از رنگ‌آمیزی با اتیدیوم بروماید، ژل به دستگاه ترانس ایلومیناتور ماورای بنفش منتقل شد و عکس پولارومیک از آن (شکل ۱). فرکانس آلل‌های



شکل ۱- شمای الکتروفورز محصولات PCR

جدول ۱- مراحل مختلف انجام آزمایش PCR

تعداد دور	مرحله	زمان	دما(درجه سلسیوس)*
cycle ۱	Initial denaturation	۱۲۰ ثانیه	۹۴
	Denaturation	۱۰ ثانیه	۹۴
cycle ۱۰	Annealing +extension	۶۰ ثانیه	۶۵
	Denaturation	۱۰ ثانیه	۹۴
	annealing	۵۰ ثانیه	۶۱
cycle ۲۰	extension	۳۰ ثانیه	۷۲

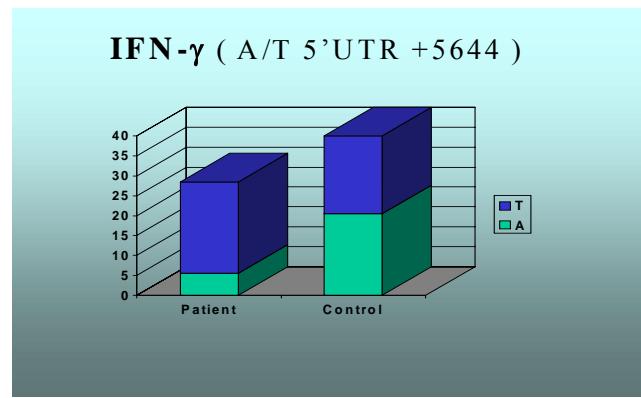
* پس از انجام PCR نمونه ها تا زمان الکتروفورز باید در ۴ سلسیوس نگهداری شوند.

جدول ۲- فرکانس آلل‌های A/T در موقعیت $5' \text{UTR} + 5644$ ۵' ژن اینترفرون گاما

شاهد	بیماران	IFN-γ: 5' UTR + 5644
۴۱	۱۱	آدنین
۳۹	۴۶	تیمین

مجذور کای $= ۱۴/۴۳ = ۰/۰۱$ ، مقدار $P = ۰/۰۱$ ، خطر نسبی $= (0/39)/(0/22) = 0/۱۸$.

نسبت شانس $(odds ratio) = (0/53)/(0/1) = 0/۵۳$.



شکل ۲- فرکانس آلل های A/T در موقعیت 5'UTR +5644 ژن اینترفرون گاما

می تواند مانع از پیدایش بیماری گردد . گزارش Siekiera [۱۸] با بررسی ما تطابق دارد و نشان می دهد که در کودکان مبتلا به دیابت نوع ۱، ژنگون TT به میزان کمتری دیده می شود . پوسیت (Pociot) [۱۹] که در بیماران دانمارکی، میکروساتلتیت های IFN- γ را بررسی کرده است، معتقد است که بین حضور این ژن ها و بیماری دیابت رابطه ای وجود ندارد. آواتا (Awata) [۲۰] در مقاله خود ژن اینترفرون گاما را یک نشانگر ژنتیکی خوب برای دیابت نوع ۱ معرفی نموده است.

با توجه به این اصل که ژن ها می توانند در ایجاد حساسیت یا مقاومت به یک بیماری خاص مؤثر باشند، حضور یک ژنوتیپ خاص از یک سیتوکین نیز می تواند در جهت یکی از این دو حالت ذکر شده نقش داشته باشد؛ همچنان که حضور ژن HLA DR3 سبب حساسیت به بیماری دیابت و ژن HLA DR2 باعث مقاومت به آن می شوند. ژنگون TT سیتوکین اینترفرون گاما احتمالاً قادر است از پیدایش بیماری ممانعت نماید.

مطالعه در گروه های بزرگتر و بین فامیلی می تواند به تأیید این نظریه کمک نماید و در نتیجه امکان بررسی افراد مستعد یا مقاوم در خانواده مبتلایان و درمانهای پیشگیرانه را فراهم کند.

در این مطالعه ملاحظه می کنیم ارتباط معنی داری بین دو گروه بیمار و شاهد وجود دارد. به عبارتی، ارتباط معنی داری بین ژنوتیپ TT در موقعیت 5'UTR +5644 ژن IFN- γ و بیماری دیابت نوع ۱ وجود دارد و با توجه به نسبت شانس کوچکتر از ۱ (OR<1) این ارتباط از نوع منفی (negative association) است یعنی داشتن این ژنوتیپ می تواند نقش محافظت کننده در برابر ابتلاء به دیابت نوع ۱ داشته باشد.

بحث

در این مطالعه پلی مرفیسم ژن سیتوکین اینترفرون گاما در بیماران مبتلا به دیابت نوع ۱ بررسی شده است. نقش سیتوکین ها در آسیب زایی (pathogenesis) دیابت نوع ۱ در تحقیقات زیادی نشان داده است [۱۳، ۱۲]. ژن IFN- γ یک سیتوکین ایمونومدولاتور است که بر روی کارکرد دستگاه ایمنی اثر فراوانی دارد و در موارد التهاب میزان ترشح آن افزایش می یابد [۱۴]. پلی مورفیسم ژن این سیتوکین می تواند در میزان ترشح آن و روند بیماری اثر بگذارد. پلی مورفیسم های متعددی برای این ژن کشف شده اند [۱۵-۱۷]. نتایج بررسی ماروی موقعیت 5'UTR+5644 ژن IFN- γ نشان می دهد که ژنگون TT با بیماری دیابت نوع ۱، دارای رابطه منفی است و در نتیجه احتمالاً

مأخذ

1. Powers AC .Diabetes Mellitus ; in: (*Harrison's principles of Internal Medicine* edited by Eugene Braunwald, 15th edition .McGraw-Hill publisher New York ; 2001, PP 2109-2137.

2. Yazdchi L, Rafiei S. Oral administration of E.coli GAD has immunomodulatory effects in diabetes. *Microbes* 2000; 102: 326-59.
3. Gottlieb PA,Eisenbrth GS. Human autoimmune diabetes In: *The Molecular Pathology of Autoimmune Disease*. Theopilopoulous. Tylor & Francis Publishing; 2002. p 588-613.
4. Abbas AK. *Celluar and Molecular immunology*. 10th edition Saunders publisher philadelphia 2003 , PP:243-273.
5. Sundy JS. Patel DD. Cytokines in normal and pathogenic inflammatory responses. In (Inflammation) edited by Gallin JI. Lippincott Williams & Wilkins publisher. Philadelphia 1999. p 433-41.
6. Kevan C. Sarne H. *Autoimmune Endocrine Disorders*. In: Autoimmune disease, edited by Lahita RG. Lippincott publishing; 2000.p 391-401.
7. Bidwell J.Keen L . Cytokine gene polymorphism in human disease supplement 1. *Genes and Immunity* 2001; 2: 61-70.
8. Chevillard C. Henri S.Two new polymorphisms in the human IFN- γ . promoter region. *European Journal of Immunology* 2002; 3: 165-9.
9. Lio D.Marino V. Genotype frequencies of the +874 (T ---> A) single nucleotide polymorphism in the first intron og the IFNgamma gene is sample of Sicilian patients affected by tuberculosis. *J. Immun. genet.* 2002; 29:371-4.
10. Miller SA..DykesD.A simple salting out procedure for extracting DNA from human nucleated cells .*Nucleic Acids Research* 88;16:1215.
11. Uboldi de Capei M.Dametto E.Genotyping for cytokine polymorphisms: allele frequencies in the Italian population. *European Journal of Immunogenetics* 2003; 30: 5-10.
12. Konenkov VI., Prokofiev VF. Polymorphism of immune response genes as a factor for predisposition to development of diseases. *Russian journal of immunology* 2001; 6: 124-130.
13. Akalin E.Murph B. Gene polymorphism and Transplantation . *Curr.Opinion in immun* 2001 , 13:572-576.
14. Provica V.Perry C. A single nucleotide polymorphism in the first intron of the human IFNgamma gene, absoute correlation with a polymorphic CA micro-satellite marker of high IFN gamma production . *Human immun.*2000;6:863-6.
15. Henri S.Stefani F.Description of three new polymorphism in the intron and 3'UTR region of the human IFNgamma gene. *Genes Immu* 2002; 3: 1-4.
16. Iwasaki H.Ota N. Five novel SNP polymorphisms of human IFNgamma, identified by sequencing the entire gene. *Human Genetics* 2001; 46: 32-4.
17. Bream JH.Ping A. A single Nucleotide polymorphism in the proximal IFN gamma promoter region alters control of gene transcription. *Genes Immunology* 2002; 3: 165-9.
18. Siekiera U.Jorosz-chobat p. Polymorphisms of TNF α ,IL-10,IL-6,IFN- γ genetically conditioned synthesis in children with T1DM. *Endokrynl Diabetiol Chor.Przemiari Wieku Rozw* 2002; 8: 29-34.
19. Pociot F.Veijola R. Analysis of IFN- γ gene polymorphism in Danish & Finish IDDM patients and control subjects.J.Interferon Cytokine Res. 1997;17:87-93.
20. Awata T. Matsuma C. Association of polymorphisms of IFN gamma with IDDM . *Diabetologia* 1994; 37: 1159-62.