

شواهدی از نقش احتمالی ANGPTL6 در میزان متابولیسم پایه و کاربرد بالقوه آن در درمان چاقی

خدیجه میرزایی^{۱*}، آرش حسین نژاد^۱، سید علی کشاورز^۲، شیلان اصلانی^۱، صمیم شهبازی

چکیده

مقدمه: Angiopoietin-related growth factor 6 [ANGPTL6] پروتئین موجود در گردش خون است که پیشنهاد شده در ابتلا به چاقی نقش دارد. هدف از این مطالعه ارزیابی ارتباط بالقوه سطح سرمی ANGPTL6 در حالت ناشتا و میزان متابولیسم پایه (RMR) و ترکیبات بدن در میان افراد چاق و افراد با وزن نرمال است.

روش‌ها: در این مطالعه ۶۲ فرد چاق و ۴۱ فرد غیر چاق شرکت نمودند که میزان متابولیسم پایه بدنشان با استفاده از دستگاه Bodystat کالری‌متری غیر مستقیم به دنبال ۱۲ ساعت ناشتاًی مورد ارزیابی قرار گرفت. ترکیب بدن با استفاده از دستگاه اندازه‌گیری شد. سطوح ANGPTL6 نیز با روش الیزا تعیین شد.

یافته‌ها: بر اساس نتایج حاصل از آنالیز ROC، بهترین مقدار آستانه برای پیشگویی خطر ابتلا به چاقی ۲۰ kcal/24h/kg براورد شد. افرادی که میزان RMR به ازای کیلوگرم وزن بدنشان برابر یا بیش از ۲۰ kcal/24h/kg بود در گروه I و افرادی که کمتر از این میزان بود در گروه II قرار گرفتند. ۷۲/۳ درصد از افراد گروه I چاق بودند و این در حالی است که ۴۷/۴ درصد افراد گروه II مبتلا به چاقی بودند. سطوح HDL و ANGPTL6 به طور معناداری در افراد گروه II پایین تر بود. همچنین این گروه به طور معناداری سطوح تری گلیسرید و hs-CRP بالاتری داشتند. وزن، نمایه توده بدن، توده چربی، چربی احشایی، سطح گلوكز ناشتا، انسولین و hs-CRP در غلظت‌های سرمی مختلف ANGPTL6، به طور معناداری متفاوت بود. میزان RMR به ازای کیلوگرم وزن بدن در غلظت‌های بالای ANGPTL6 بیشترین مقدار را داشت.

نتیجه‌گیری: ANGPTL6 بر میزان متابولیسم پایه تاثیر می‌گذارد و به طور معناداری باعث بهبود پروفایل چربی می‌شود که تا حدودی به علت تاثیر بر غلظت و حساسیت انسولین است. مطالعات بیشتری برای توجیه این مطلب مورد نیاز است. به نظر می‌رسد نتایج این مطالعه بتواند در زمینه پیشرفت درمان فارماکولوژیکی چاقی موثر باشد.

واژگان کلیدی: ANGPTL6، ترکیب بدن، چاقی، کالری‌متری غیر مستقیم، الیزا

۱- مرکز تحقیقات غدد/پژوهشکده علوم غدد و متابولیسم، دانشگاه علوم پزشکی تهران
۲- گروه تغذیه و بیوشیمی دانشکده بهداشت، دانشگاه علوم پزشکی تهران

***نشانی:** تهران، خیابان کارگر شمالی، بیمارستان شریعتی، طبقه پنجم، پژوهشکده علوم غدد و متابولیسم دانشگاه علوم پزشکی تهران، کد پستی: ۱۴۱۱۴۱۳۱۳۷، تلفن: ۰۲۱-۸۸۲۲۰۰۳۷-۸، نامابر: ۰۲۱-۸۸۲۲۰۰۵۲، پست الکترونیک: emrc@tums.ac.ir

مقدمه

شده به علت افزایش مقاومت به انسولین و knock-out کاهش میزان مصرف انرژی چاق شدن. از سوی دیگر، در موش‌های با رژیم پرچرب که آدنوویروس‌های ژن ANGPTL6 را دریافت نمودند، افزایش سطح سرمی ANGPTL6 و به دنبال آن بهبود مقاومت به انسولین و چاقی ناشی از آن مشاهده شد که نتیجه آن کاهش وزن و بهبود حساسیت به انسولین بود [۱۱، ۱۰، ۷، ۶، ۴]. بنابراین به نظر می‌رسد سطح Angptl6 در گردش خون بیانگر میزان مصرف انرژی باشد [۱۲، ۱۱]. اگرچه تاکنون در مورد نقش Angptl6 در تحریک مصرف انرژی مطالعاتی متشرشده؛ اما شواهد ضد و نقیضی در مورد عملکرد این پروتئین در افراد چاق و بیماران دیابتی مشاهده شده است [۱۳، ۷]. شواهدی مبتنی بر تغییر دمای بدن و میزان مصرف انرژی بدون تغییر در میزان دریافت غذا در موش‌های Angptl6-/ وجود دارد. این یافته پیشنهاد می‌کند که افزایش بافت چربی به دنبال اختلال در تطبیق ترموزن اتفاق می‌افتد. جالب است که مطالعات مولکولی نیز این نتایج را تایید می‌کنند [۶، ۷]. با توجه به نقش Angptl6 به عنوان تنظیم کننده مهم متابولیسم در مطالعات حیوانی، به نظر می‌رسد این پروتئین عملکرد مشابهی در انسان داشته باشد. بنابراین مطالعه حاضر به منظور بررسی غلاظت Angptl6 در افراد چاق و مقایسه آن با افراد دارای وزن نرمال طراحی شد. همچنین میزان متابولیسم پایه و ارتباط بالقوه آن با غلاظت Angptl6 در دو گروه مورد ارزیابی قرار گرفت.

روش‌ها

جمعیت مورد بررسی

در این مطالعه مورد-شاهدی، ۱۰۳ فرد شرکت نمودند که ۶۲ نفر [۶۰/۱۹٪] دارای نمایه بدنی مساوی یا بالاتر از ۳۰ بوده و ۴۱ نفر [۳۹/۸۰٪] نمایه توده بدنی کمتر از ۳۰ داشتند. پروتکل مطالعه توسط کمیته اخلاق پژوهشکده

مدت‌هاست که چاقی به عنوان عامل پاتوژنیک مهمی در ابتلا به بیماری‌های مختلفی از جمله دیابت و بیماری‌های قلبی-عروقی مطرح است [۱]. در مطالعات بسیاری به نقش علیتی دریافت بیش از حد نیاز بدن به مواد غذایی و عدم تحرک کافی در ابتلا به چاقی اشاره شده است [۲]. اخیراً علاوه بر سایتوکین‌های مشتق از بافت چربی [آدیپوکین‌ها] مانند لپتین، آدیپونکتین، رزیستین، ویسفاتین، فاکتور نکروز توموری و ایترلوکین، نقش پروتئین‌های خانواده شبه آژنیوپوتین [Angptl] که شامل Angptl1 تا Angptl6 می‌باشند در تنظیم گلوكز و متابولیسم چربی و نیز تشکیل بافت چربی شناخته شده است [۳-۵]. به نظر می‌رسد یکی از مهمترین اعضاء خانواده Angptl از لحاظ عملکرد آن در متابولیسم گلوكز و چربی و حساسیت به انسولین، Angptl6 باشد [۶].

سازوکار تشکیل بافت چربی به علت مصرف کالری بیش از نیاز فعالیت روزانه و فرایندهای متابولیکی با افزایش Angptl6 مداوم وزن بدن مناسب است. بنابراین سطوح مشتق از کبد که تغییرات آن با میزان مصرف انرژی همراه است، می‌تواند به عنوان واسطه بالقوه مهمی در ابتلا به چاقی در نظر گرفته شود [۴، ۶]. به نظر می‌رسد حضور Angptl6 در گردش خون سیستمیک بیانگر نقش اندوکرین این پروتئین در بدن باشد [۷]. شواهدی وجود دارد که نشان می‌دهد این پروتئین جدید مشتق از کبد باعث پیشگیری از چاقی و مقاومت به انسولین می‌شود. همچنین Angptl6 در تنظیم متابولیسم، تعدیل وزن بدن، تشکیل بافت چربی و حساسیت به انسولین نقش دارد. از سوی دیگر از ابتلا به چاقی مرتبط با مقاومت به انسولین پیشگیری نموده و به نظر می‌رسد اهمیت بالقوه‌ای در درمان مشکلات ناشی از چاقی داشته باشد [۶، ۸]. مطالعات بر روی حیوانات نشان داده که محصول ژن ANGPTL6 نقش مهمی در تنظیم توده چربی و حساسیت به انسولین ایفا می‌کند [۹]. به عنوان مثال موش‌های

سطح سرمی ANGPTL6 با روش ELISA به ترتیب با ضریب تغییرات ارزیابی^۵ درون گروهی^۶ و بین گروهی^۷ ۰/۳۶٪ و ۰/۳٪ تعیین گردید.

ANGPTL6 [human] ELISA kit, AdipoGen Inc.]

[AG-45A-0016EK-KI0, Incheon, Korea]

غلاظت پلاسمایی انسولین با روش ELISA با حساسیت ۱/۷۶ µIU/ml و به ترتیب با ضریب تغییرات درون گروهی Human و بین گروهی ۲/۱۹٪ و ۴/۴٪ ارزیابی شد [insulin ELISA kit, DRG Pharmaceuticals, GmbH, [Germany]

اندازه‌گیری^۸ REE^۹

اندازه‌گیری در تمام نمونه‌ها توسط کارشناس تغذیه کار آزموده و مجبوب با استفاده از پروتکل استاندارد انجام شد. پیش از اندازه‌گیری REE ترکیب بدن به دقت با دستگاه Bodystat 1500 ارزیابی شد که با جزئیات بیشتر در بخش بعدی توضیح داده می‌شود. بر طبق پروتکل مصوب قدم با استفاده از متر نواری ۲۰۰ درجه‌ای Seca اندازه‌گیری شد [بدون کفش، پاشنه‌ها به هم چسبیده، پاشنه‌ها، کتف و سر به صورت عمودی در امتداد دیوار]. REE با استفاده از Cosmed Company, Via dei Piani di Monte Savello 37, Pavona di Albano - [Rome I - 00040 ITALY

محصول جدیدی است که از آنالیزور متابولیکی FitMate کوچک [cm^{۲۴x۲۰}] و ماسک پوشاننده بینی و دهان تشکیل شده است. این دستگاه برای اندازه‌گیری میزان مصرف انرژی و اکسیژن در زمان استراحت و ورزش طراحی شده است. در این دستگاه برای اندازه‌گیری میزان تهווیه از توربین فلومتر و برای آنالیز جزء اکسیژن موجود در گازهای تنفسی از مخزن گالوانیک حساس به اکسیژن استفاده شده است. RMR با استفاده از اطلاعات به دست آمده از جمله میزان مصرف اکسیژن، نسبت تنفسی [RQ]^۹

5- Coefficient of variation

6- Inter-assay

7- Intra-assay

8- Resting energy expenditure

9- Respiratory quotient

علوم غدد و متابولیسم دانشگاه علوم پزشکی تهران تصویب شد. شرکت کنندگان بر اساس معیارهای ورود از جمله دارا بودن سن ۲۰-۶۸ سال، عدم ابتلا به بیماری‌های التهابی حاد یا مزمن، نداشتن سابقه ابتلا به فشار خون بالا، عدم مصرف الکل و دخانیات وارد مطالعه شدند. معیارهای خروج از مطالعه شامل هر اختلالی که مارکرهای التهابی را تحت تاثیر قرار می‌دهد از جمله ابتلا به بیماری‌های قلبی-عروقی، کبد، کلیه، تیروئید، سرطان، دیابت، نارسایی قلبی و ابتلا به عفونت‌های حاد یا مزمن بود. توزیع میانگین سن و جنس در گروه‌های مورد و شاهد تفاوت آماری معناداری نداشت.

ارزیابی‌های بیوشیمیایی و هورمونی

پس از تکمیل فرم رضایت‌نامه توسط شرکت کنندگان، نمونه خونشان پس از ۱۰-۱۲ ساعت ناشتاپی گرفته شد و بلافالصله سانتریفیوژ شده و پس از تقسیم در دمای ۸۰- درجه نگهداری شد. تمام نمونه‌ها با روش و شرایط مشابهی مورد ارزیابی قرار گرفتند. تمام آزمایش‌ها در آزمایشگاه پژوهشکده علوم غدد و متابولیسم دانشگاه علوم پزشکی تهران انجام شد.

سطح گلوکز سرمی با روش GOD/PAP، تری‌گلیسرید TG با روش GPO-PAP، کلسترول توtal با روش آنزیماتیک Endpoint، کلسترول لیپوپروتئین با دانسیته بالا HDL-C با ارزیابی کلرینس آنزیماتیک انجام شد. تمام مواد فوق با استفاده از کیت‌های آزمایشگاهی Randox انجام گردید [Hitachi 902]. غلاظت سر می CRP- hs به عنوان شاخص التهابی شناخته شده، با ارزیابی‌های ایمونوتوربیدیمتریک^۴ اندازه‌گیری شد [ارزیابی با حساسیت بالا، با دستگاه Hitachi 902

1- Triglyceride

2- High density lipoprotein

3- Hyper sensitivity c-reactive protein

4- Immonoturbidimetric

یافته‌های حاصل از مطالعه با استفاده از نرم‌افزار SPSS ویرایش ۱۳ آنالیز شد. برای تمام تست‌ها مقادیر کمتر از ۰/۰۵ معنادار در نظر گرفته شد.

ثبت ۰/۸۵ و میزان نیتروژن ادراری محاسبه شده با معادله Weir قابل اندازه‌گیری است.

معادله Weir : $REE = [M\text{صرف} 2 \times 0.941] + \text{تولید} 1440 \text{ min/d} \times 1/11 \times [L\text{یتر}]^2$

یافته‌ها

از میان ۱۰۳ فرد شرکت کننده در این مطالعه مورد شاهدی ۶۲ نفر [۶۰/۱۹٪] دارای نمایه بدنی مساوی یا بالاتر از ۳۰ و ۴۱ نفر [۳۹/۸۰٪] دارای نمایه توده بدنی کمتر از ۳۰ بودند. ۹۰ نفر آنها زن و ۱۳ نفرشان مرد بودند. مشخصات دموگرافیک، بیوشیمیابی و دموگرافیک افراد شرکت کننده در مطالعه در جدول ۱ نشان داده شده است.

نتایج حاصل از آنالیز منحنی ROC بهترین میزان RMR/kg را که بیشترین حساسیت و ویژگی را در ابتلا به چاقی پیشگویی می‌کرد 20 kcal/kg برآورد نمود. براساس این مقدار برآورده شده $72/3\%$ افرادی که RMR کمتر از این مقدار داشتند چاق بودند در حالی که $47/4\%$ افرادی که RMR بیشتر یا مساوی 20 kcal/kg بودند $P=0/02$, $RR=1/52$, $CI: 1/04-2/23$, $0/95$.

یافته‌های مطالعه حاضر نشان داد که میانگین \pm انحراف معیار RMR/kg افراد چاق با نمایه توده بدن بالاتر از ۳۰ کمتر از افراد با نمایه توده بدن کمتر از ۳۰ می‌باشد. افراد شرکت کننده در مطالعه بر اساس مقدار آستانه برآورده شده 20 kcal/kg] RMR/kg دو گروه تقسیم‌بندی شدند که در جدول ۲ نشان داده شده است. افرادی که RMR/kg بیشتر یا مساوی با 20 kcal/kg داشتند در گروه I و افرادی که کمتر از این مقدار داشتند در گروه II قرار گرفتند. سطوح HDL و ANGPTL6 در گروه II به طور معنادار کمتر از گروه I بود. همچنین سطوح TG و hs-CRP در این گروه به طور معناداری بالاتر بود. سطوح گلوكز ناشتاپ سرم، كلسترول توتال و انسولین اختلاف معناداری در بین دو گروه نداشت.

نمایه توده بدن، میزان متابولیسم پایه محاسبه شده بر اساس معادله، درصد چربی، توده چربی و چربی احشایی در گروه II بالاتر از گروه I بود. سن، توده عضلانی، میزان آب کل

از شرکت کنندگان خواسته شده بود به مدت ۱۲ ساعت پیش از انجام آزمایش ناشتا بوده و از فعالیت جسمی و کشیدن سیگار بپرهیزند. پیش از انجام تست تمام افراد به مدت ۱۵ دقیقه در حالت استراحت مانده و به مدت ۲۰ دقیقه مورد سنجش قرار گرفتند. اگر چه ۵ دقیقه نخست از آنالیز حذف شده و فقط ۱۵ دقیقه برای محاسبه REE استفاده می‌شود.

آنالیز کامل ترکیب بدن

دستگاه Bodystat 1500 برای ارزیابی ترکیب بدن استفاده شد. این دستگاه ۴ کابل متنه به گیره‌هایی دارد که به الکترودهایی متصل می‌باشند. الکترودهای مصرفی به دست و پای راست متصل می‌شوند. قابل ذکر است که آنالیزورهای این دستگاه با باطری‌های تولید کننده سیگنانل از بدن و اندازه‌گیری امپدانس در فرکانس ثابت ۵۰ kHz کار می‌کنند. جنس، وزن، قد و سطح فعالیت جسمی از جمله اطلاعاتی است که وارد دستگاه می‌شود. پس از انجام تست، آنالیز کامل ترکیب بدن که شامل درصد و میزان چربی، درصد و میزان توده عضلانی و درصد کل آب بدن و مقایسه آن با مقادیر نرمال در مدت زمان کوتاهی توسط دستگاه ارائه می‌شود.

آنالیزهای آماری

برای مقایسه مقادیر متغیرها در بین گروه‌ها از آزمون مربع کای استفاده شد. ارتباط نسبی بین مقادیر آستانه RMR/kg و خطر ابتلا به چاقی برآورده شد؛ احتمال ارتباط بین سطوح سرمی ANGPTL6 و خطر ابتلا به چاقی با استفاده از مدل رگرسیون لجیستیک چند متغیره بررسی شد که متد مدل افزایشی به کار گرفته شد.

۱ با جزئیات بیشتری اختلاف سطوح میزان چربی بدن را در میان سطوح مختلف ANGPTL6 نشان می‌دهد. همچنین سطوح گلوكز ناشتای سرمی، انسولین و hs-CRP در میان گروه‌ها تفاوت معناداری نشان داد. اختلاف معنادار سطوح TG، گلوكز ناشتای سرم و انسولین با جزئیات در شکل شماره ۲ نشان داده شده است. از جمله یافته‌های RMR/kg جالب مطالعه حاضر این بود که افراد با میزان RMR/kg بالاتر، به طور معناداری سطوح ANGPTL6 بالاتر داشتند و بر عکس در افراد با RMR/kg کمتر، غاظت ANGPTL6 به طور معنادار پایین‌تر بود.

بدن، فشار خون سیستولیک و دیاستولیک و تعداد ضربان قلب، اندازه دور کمر و باسن در بین دو گروه اختلاف معناداری نداشت. اختلاف معنادار سطح ANGPTL6 در بین دو گروه بیانگر اهمیت سطح در گردش این پروتئین در پیشگویی سایر متغیرها می‌باشد. بنابراین مقادیر سایر متغیرها را بر طبق غلط سرمی این پروتئین آنالیز شد که در جدول شماره ۳ نشان داده شده است و نشان می‌دهد که شاخص‌های چاقی مانند وزن، نمایه توده بدن، توده چربی، چربی احشایی و RMR/kg در میان غاظت‌های سرمی متفاوت ANGPTL6 اختلاف معناداری دارند. شکل شماره

جدول ۱- مشخصات آنتروپومتریک و ارزیابی‌های آزمایشگاهی جمعیت مورد بررسی*

متغیر	(Kcal/24h) BMR	۳۲/۴۳±۱۹۳/۴۷	میانگین ± انحراف معیار	میانه	صد ک
سن (سال)		۳۸/۷۴±۱۰/۷۳		۴۰	۳۰-۴۶
قد (cm)		۱۶۰/۰/۹±۵/۵۳		۱۶۰	۱۵۸-۱۶۸
وزن (kg)		۸۰/۴۵±۱۲/۲۵		۷۷	۷۱-۸۶
(kg/m ²) BMI		۳۱/۴۳±۴/۸۳		۳۰/۵۰	۲۸/۱-۳۳/۹۰
برآورد چربی (%)		۱۵۳۲/۱۶±۱۹۳/۴۷		۱۴۸۸	۱۴۱۰-۱۵۷۵
درصد چربی (%)		۳۷/۵۱±۵/۱۰		۳۷/۵	۳۴/۵۰-۴۰/۵۰
توده چربی (kg)		۳۰/۵۱±۸/۱۱		۲۹/۴۰	۲۵-۳۵/۷
توده عضلانی (kg)		۴۹/۹۳±۶/۳۱		۴۸/۴۰	۴۶/۵-۵۲
آب کل بدن (kg)		۳۶/۵۵±۴/۶۳		۳۵/۴۰	۳۴-۳۸/۱
چربی احشایی (kg)		۷/۷۴±۲/۹۰		۷	۶-۱۰
دور کمر (cm)		۱۰۰±۱۰/۴۳		۱۰۱	۹۲-۱۰۹
دور باسن (cm)		۱۱۴/۵۱±۱۱/۸۴		۱۱۴	۱۰۸-۱۲۱
سطح گلوكز سرم در حالت ناشتا (mg/dl)		۱۱۳/۶۷±۴۳/۰۲		۱۰۰	۹۵-۱۱۶
(mg/dl) TG		۱۳۳/۲۲±۶۵/۱۸		۱۰۴	۸۰-۱۸۰
(mg/dl) T-Chol		۱۷۳/۷۷±۳۴/۵۷		۱۶۴	۱۵۳-۱۹۶
(mg/dl) LDL-Chol		۹۸/۵۸±۲۵/۶۳		۹۳	۴۲-۵۲
(mg/dl) HDL		۴۶/۱۹±۱۰/۳۴		۴۵	۸۱-۱۲۴
(mg/L) Hs-CRP		۳/۳۲±۰/۰۴		۱/۸	۰/۷-۴/۲۰
(μIU/ml) انسولین		۱۴/۹۸±۹/۲۷		۱۳/۳۰	۸/۵۰-۱۶/۲۰
(ng/ml) ANGPTL6		۴۰/۴۶±۱۳/۷۰		۱۰/۰۸	۶-۳۰/۰۹
(Kcal/24h/kg) RMR/kg		۲۰/۲۴±۳/۲۱		۲۰/۰۷	۱۷/۶۸-۲۲/۹۵
(Kcal/24h/kg) RMR/LBM		۳۲/۴۹±۵/۱۷		۳۲/۰۷	۳۰/۲۳-۳۵/۸۰

* تعداد ۱۰۳=۰.۸۷٪ کل جمعیت مورد بررسی را زنان تشکیل می‌دادند.

BMI, body mass index; RMR, resting metabolic rate; BMR predict, basal metabolic rate prediction by Body STAT devise; RMR, resting metabolic rate; TG, triglyceride; T-chol, total cholesterol; LDL, low density lipoprotein; HDL, high density lipoprotein; hsCRP, Hyper sensitivity c-reactive protein; ANGPTL6, angiopoietin-like protein 6; RMR/LBM, resting metabolic rate/lean body mass.

جدول ۲- مشخصات افراد شرکت کننده براساس میزان RMR به ازای کیلوگرم وزن بدن در ۲۴ ساعت
شرکت کنندگان

RMR/kg ≥ ۲۰	RMR/kg < ۲۰	متغیر
۳۶/۹۴±۹/۷۸	۳۹/۰۸±۱۲/۹۰	سن (سال)
۳۰/۳۰±۳/۹۸	۳۳/۱۵±۴/۹۷	* (kg/m ²) BMI
۱۵۲۶/۲±۲۲۳/۲۷	۱۶۳۷/۵۵±۳۱۲/۳۲	برآورده BMR (Kcal/24h)
۳۵/۷۹±۷/۰۱	۳۹/۲۸±۷	درصد چربی (%)
۲۸/۱۸±۸/۳۵	۳۴/۴۷±۹/۲۸	توده چربی (kg)
۴۹/۸۶±۷/۸۴	۵۲/۹۷±۱۰/۵۹	توده عضلانی (kg)
۳۶/۵۱±۵/۷۳	۳۸/۷۷±۷/۷۶	آب کل بدن (kg)
۷/۲۱±۲/۵۲	۹/۶۰±۳/۱۶	چربی احتشامی (kg)
۹۸/۰۹±۹/۰۷	۱۰۰/۷۷±۱۰/۳۸	دور کمر (cm)
۱۱۰/۱۰±۸/۹۰	۱۱۶/۳۶±۱۲/۶۰	دور باسن (cm)
۱۰۸/۴۸±۳۳/۶۹	۱۰۵/۷۸±۲۳/۸۳	سطح گلوکز سرم در حالت ناشتا (mg/dl)
۱۱۶/۱۳±۴۵/۹۸	۱۵۱/۷۸±۶۱/۷۰	*(mg/dl) TG
۱۷۶/۲۷±۳۱/۷۱	۱۷۴/۸۹±۳۴/۶۹	(mg/dl) T-Chol
۴۶/۷۰±۱۰/۰۵	۴۲/۲۳±۱۱/۳۱	(mg/dl) HDL
۲/۲۱±۲/۱۵	۴/۶۴±۴/۱۵	*(mg/L) Hs-CRP
۱۲/۷۰±۶/۷۴	۱۳/۹۳±۷/۷۹	(μlU/ml) انسولین
۲۴/۰۴±۱۶/۷۰	۸/۰۷±۴/۰۴	*(ng/ml) ANGPTL6

P* کمتر از ۰/۰۵ معنادار در نظر گرفته شده است.

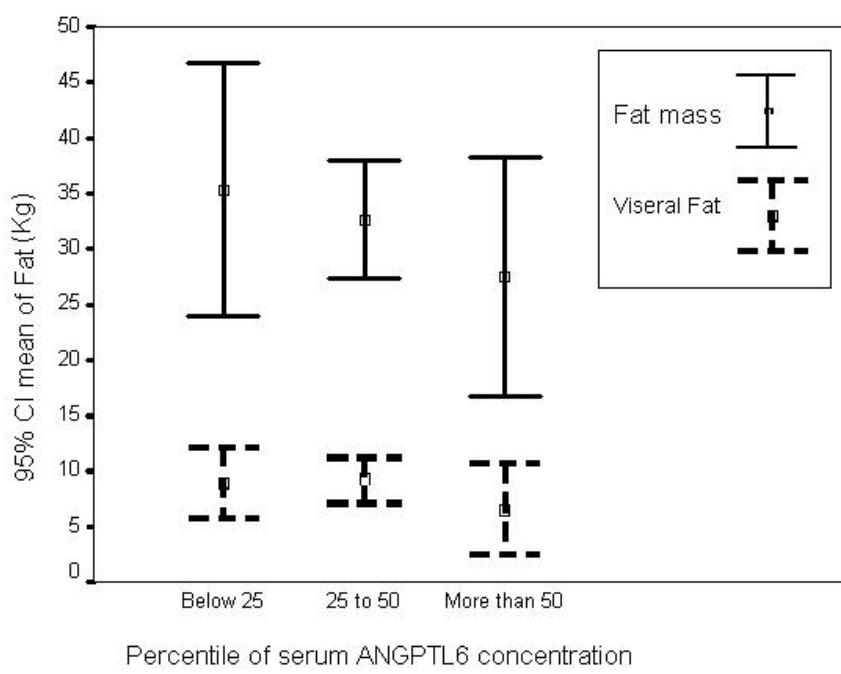
BMI, body mass index; BMR predict, basal metabolic rate prediction by Body STAT devise; RMR, resting metabolic rate; TG, triglyceride; T-chol, total cholesterol; LDL, low density lipoprotein; HDL, high density lipoprotein; hsCRP, Hyper sensitivity c-reactive protein; ANGPTL6, angiopoietin-like protein 6; RMR/LBM, resting metabolic rate/lean body mass.

جدول ۳- مشخصات افراد شرکت کننده براساس غلظت سرمی ANGPTL6

بیش از صد کی ۷۵	بین صد کی ۵۰-۷۵	کمتر از صد کی ۲۵	متغیر
>۱۱۸/۷۷	۵۰/۶۵-۱۱۸/۷۷	۵۰/۶۵	
۳۴= تعداد	۳۰= تعداد	۳۹= تعداد	
۳۸/۸۹±۱۳/۶۰	۳۹/۴۵±۸/۹	۳۷/۲۶±۱۱/۹۳	سن (سال)
۱۶۰/۶۶±۱۰/۷۰	۱۶۴/۹۲±۷/۸۱	۱۶۵/۴±۱۱/۱۹	(cm)
۷۶/۳۶±۱۱/۹۷	۸۰/۳۲±۱۵/۶۲	۸۹/۸۶±۱۴/۸۱	*(kg)
۲۹/۶۸±۴/۷۸	۳۱/۳۰±۵/۰۴	۳۲/۷۸±۴/۰۴	* (kg/m ²) BMI
۱۵۱۱/۰±۲۷۲/۹	۱۶۲۴/۵±۳۴۴/۲۵	۱۷۰/۱/۴±۴۵۲/۹	برآورده BMR (Kcal/24h)
۳۵/۶۶±۹/۷۷	۳۷/۹۶±۷/۱۲	۳۹/۸۲±۹/۰۷	درصد چربی (%)
۲۷/۴۰±۱۰/۲۶	۳۲/۶۴±۹/۱۹	۳۵/۳±۹/۱۷	توده چربی (kg)
۴۸/۹۵±۱۰/۲۱	۵۰/۷۲±۱۱/۰۹	۵۴/۰۶±۱۶/۲۶	توده عضلانی (kg)
۳۵/۸۳±۷/۴۸	۳۸/۰۹±۸/۱۱	۳۹/۹۴±۱۱/۸۹	آب کل بدن (kg)
۹/۶۶±۳/۸۸	۹/۲۳±۳/۲۴	۹/۰±۲/۴	چربی احتشامی (kg)
۹۳/۰±۱۳/۵۷	۹۵/۰۷±۱۲/۶۷	۹۱/۰±۱۴/۵۱	دور کمر (cm)
۱۱۰/۰±۱۳/۷۲	۱۱۴/۴۲±۱۲/۹۸	۱۰۷/۰±۱۳/۵۷	دور باسن (cm)
۹۹/۱۶±۰/۱۱	۱۰۰/۹۲±۱۶/۲۱	۹۸/۸۳±۱۳/۶۱	سطح گلوکز سرم در حالت ناشتا (mg/dl)
۱۲۷/۸۳±۳۸/۷۴	۱۴۲/۷۸±۷۸/۴۴	۱۷۵/۱۶±۸۶/۴۴	*(mg/dl) TG
۱۸۲/۶۶±۱۹/۲۸	۱۷۴/۰±۳۳/۹۵	۱۶۲/۶۶±۲۱/۰۷	*[mg/dl] T-Chol
۱۰۷/۰±۲۱/۳۲	۹۹/۲۸±۲۲/۱۵	۸۸/۶۶±۱۶/۰۷	*(mg/dl) LDL-Chol
۴۳/۰±۱۲/۶۶	۴۰/۲۱±۷/۷۷	۳۷/۳۳±۱۱/۸۶	(mg/dl) HDL
۳/۱۳±۲/۵۱	۲/۶±۳/۳۹	۵/۶±۷/۳	*(mg/L) Hs-CRP
۱۰/۲۶±۴/۲۵	۱۳/۰۹±۸/۲۰	۱۴/۲۵±۵/۱۹	(μlU/ml) انسولین
۱۵۷۹/۶۶±۳۸۵/۷۳	۱۵۷۱/۰۷±۲۴۳/۴۷	۱۵۶۸/۸±۱۶۸/۸۰	(Kcal/24h/kg) RMR
۲۰/۸۹±۴/۷۲	۱۸/۷۱±۲/۹۸	۱۷/۸۱±۳/۱۱	* (Kcal/24h/kg) RMR/kg
۳۲/۲۹±۴/۳۱	۳۰/۳۱±۴/۰۳	۳۰/۶±۸/۱۱	(Kcal/24h/kg) RMR/LBM

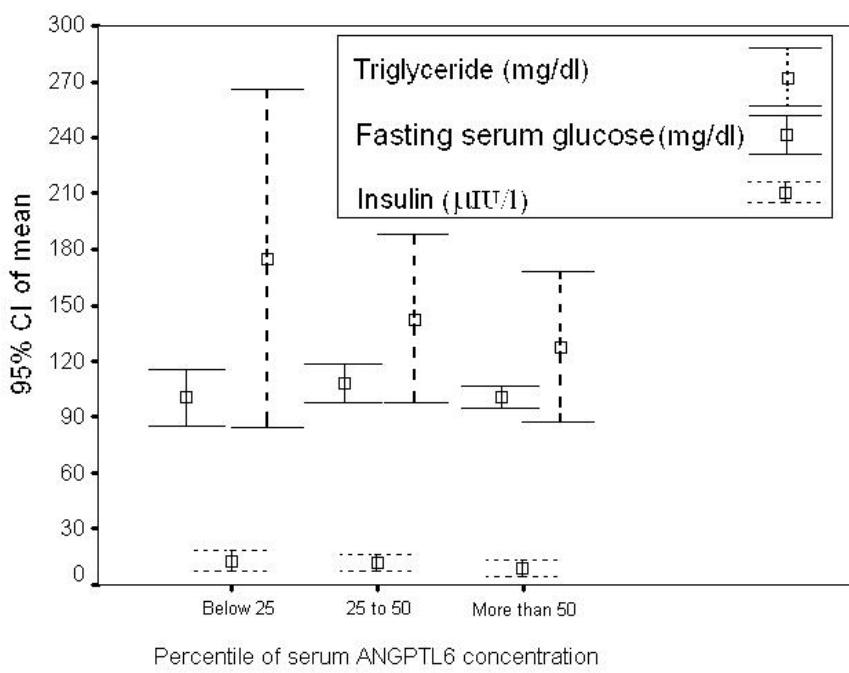
P* کمتر از ۰/۰۵ معنادار در نظر گرفته شده است.

BMI, body mass index; RMR, resting metabolic rate; BMR predict, basal metabolic rate prediction by Body STAT devise; RMR, resting metabolic rate; TG, triglyceride; T-chol, total cholesterol; LDL, low density lipoprotein; HDL, high density lipoprotein; hsCRP, Hyper sensitivity c-reactive protein; ANGPTL6, angiopoietin-like protein 6; RMR/LBM, resting metabolic rate/lean body mass.



شكل ۱- مقدار انواع چربی بر اساس سطوح مختلف ANGPTL6 گردش خون

توده چربی کل و چربی احشایی در غلظت‌های بالای ANGPTL6 سرمی کمترین مقدار را دارد.
ANGPTL6; Angiopoietin-related growth factor 6



شكل ۲- سطوح TG، گلوکز سرم در حالت ناشتا و انسولین در میان سطوح مختلف ANGPTL6 گردش خون

وضعیت بهتر تنظیم گلوکز خون و پروفایل چربی در غلظت‌های بالای ANGPTL6 نمایان است.
ANGPTL6; Angiopoietin-related growth factor 6

بحث

می‌دهد، همراهی دارد. از سوی دیگر شواهدی وجود دارد که نشان می‌دهد افزایش بیان Angptl6 در موش‌های دریافت کننده رژیم پرچرب، چاقی و حساسیت به انسولین را بهبود می‌بخشد [۷]. مطابق با این یافته و بر اساس گروه‌بندی RMR/kg، یافته‌های حاصل از مطالعه حاضر نشان داد که سطح سرمی Angptl6 در گروه با RMR/kg بالاتر، به طور معناداری بالاتر است. در این گروه غلظت TG به طور معناداری پایین‌تر بود. نتایج آنالیز بر طبق سطوح Angptl6 نشان داد که در گروه با غلظت بالای Angptl6، به طور معناداری سطوح TG و انسولین پایین و غلظت HDL بالاست. یافته‌های حاصل از مطالعه Oike و Tabata [۱۱] نشان داد که افزایش بیان Angptl6 در کبد باعث افزایش سطوح Angptl6 و درمان چاقی ناشی از رژیم و مقاومت به انسولین می‌شود. همچنین شواهدی وجود دارد که سطوح Angptl6 رابطه مستقل و مثبتی با سطح گلوكز خون سرم دارد. سطوح انسولین و گلوكز سرم در میان گروه‌های با غلظت‌های متفاوت Angptl6 اختلاف معناداری دارد که با یافته‌های حاصل از مطالعات پیشین همخوانی دارد.

این یافته بیانگر ارتباط بالقوه سطح ANGPTL6 و تنظیم گلوكز خون است، اگرچه سازوکار دقیق این فرایند به طور کامل شناخته نشده است و نیازمند تحقیقات بیشتر در این زمینه می‌باشد. Kitazawa و همکارانش [۸] پیشنهاد کردند که Angptl6 از طریق مسیر وابسته به FoxO1/Akt باعث مهار گلوكونئوژن می‌شود. گزارش‌های حاصل از مطالعه دیگر نشان داد که دریافت Angptl6 در موش‌های چاق ناشی از رژیم غذایی باعث افزایش فعالیت پروتئین کینазهای فعال کننده آدنوزین مونوفسفات‌ها شده که منجر به افزایش حساسیت به انسولین در عضلات اسکلتی می‌شود [۱۰].

از سوی دیگر در تایید این مطلب ارزیابی‌های *in vitro* بر میوبلاست‌های C2C12 نشان داد که پس از افزودن Angptl6، افزایش دوز انسولین منجر به افزایش فسفریلاسیون-1 IRS-1، *فال نمودن PI3-K* و برداشت

۶۰-۷۵٪ کل انرژی مصرفی در افرادی که فعالیت شدیدی ندارند را میزان متابولیسم در حالت استراحت تشکیل می‌دهد. بنابراین میزان متابولیسم در حالت استراحت جزء بسیار مهمی در تعادل انرژی محسوب می‌شود. از سوی دیگر میزان متابولیسم در حالت استراحت تاثیر مهمی در افزایش و کاهش وزن دارد [۱۴، ۱۵].

یافته‌های مطالعه حاضر نشان داد که افراد با سطوح پایین RMR/kg در مقایسه با افرادی که سطح RMR/kg بالاتر داشتند بیشتر در معرض ابتلا به چاقی بودند. بر طبق نتایج kcal/kg به دست آمده بیش از ۲/۳ افراد با RMR کمتر از ۲۰ چاق بودند و خطر نسبی ابتلا به چاقی در این گروه ۱/۵ برابر گروه دیگر بود. توده چربی بدن بر میزان مصرف انرژی در حالت استراحت تاثیرگذار است اگرچه سازوکار دقیق و میزان برهمکنش در این فرایند ناشناخته است. نتایج مطالعه‌ای که برای ارزیابی نقش توده چربی بر میزان REE در درجات مختلف چاقی در ۱۳۰۶ زن طراحی شده بود، با یافته‌های مطالعه حاضر همخوانی داشت. یافته‌های به دست آمده از مطالعه Bosy-Westphal و همکارانش مقادیر متفاوت REE را در درجات مختلف توده چربی بدن نشان داد؛ REE با افزایش درجه چاقی از کم تا نرمال و اندکی افزایش نشان می‌دهند، اما به شدت مقدار آن در درجات بالا و بسیار بالای چاقی کاهش می‌یابد [۱۶]. یافته‌های این مطالعه نیز نشان داد که گروه با RMR/kg پایین، حداقل ۴۰٪ وزن بدنشان را توده چربی تشکیل می‌داد. این شواهد بیانگر کاهش میزان متابولیسم در چاقی شدید است. البته این موضوع باید در زمانی که REE برای توده چربی نرمالیزه شده در نظر گرفته شود.

گزارش‌هایی از مطالعات پیشین نشان می‌دهد که موش‌های knock out شده Angptl6، چاق بوده و چاقی شدید مرتبط با هایپرانسولینی نشان می‌دهند [۴، ۶] که با یافته‌های مطالعه حاضر که سطوح بالاتر انسولین و نمایه توده بدنی را در غلظت‌های پایین‌تر ANGPTL6 نشان

Angptl6-KO در موش‌های PGC-1 α و δ PPAR در کاهش و در در CAG Angptl6 افزایش می‌یابد [۱۱].

بنابراین منطقی به نظر می‌رسد بافت عضلانی به عنوان بافت هدف Angptl6 در نظر گرفته شود. یافته‌های مطالعه حاضر کمترین میزان توده عضلانی را در بیشترین غلظت‌های Angptl6 نشان داد. به نظر می‌رسد در افرادی که توده عضلانی کمتری دارند، برای بهبود عملکرد، غلظت Angptl6 افزایش می‌یابد.

یافته‌های مطالعات در مورد سطوح Angptl6 و ارتباط آن با کاهش وزن زمانی مهم جلوه می‌کند که مسیر بالقوه آن به عنوان یک مداخله فارماکولوژیکی در بهبود چاقی و مقاومت به انسولین شناخته شود.

اخیراً ارتباط بالقوه فنوتیپ‌های مرتبط با سندروم متابولیک و پلی‌مرفیسم‌های ژن Angptl6 در میان جمعیت شرکت کننده در مطالعه MONICA فرانسه بررسی شده است [۱۸]. مشابه یافته‌های مطالعه فوق، نتایج حاصل از مطالعه حاضر نیز تفاوت معناداری را در میان اجزاء سندروم متابولیک مانند دور کمر، باسن، فشار خون سیستولی و دیاستولی و نیز پروفایل چربی در میان غلظت‌های متفاوت Angptl6 نشان داد. این یافته‌ها اهمیت این پروتئین و ژنتیک آن را به عنوان کاربرد در درمان بالقوه چاقی آشکار می‌سازد. به نظر می‌رسد مطالعات بیشتری برای درک بهتر اهمیت متابولیک Angptl6 گردد خون و نقش بالقوه آن در درمان فارماکولوژیکی چاقی ضروری است.

سپاسگزاری

هزینه انجام این طرح توسط مرکز تحقیقات غدد درون‌ریز و متابولیسم دانشگاه علوم پزشکی تهران تامین شده است.

گلوکز و در نهایت بهبود سیگنال انسولین می‌شود [۱۰]. قابل ذکر است که این یافته بیانگر تاثیر مستقیم Angptl6 در بهبود سیگنال انسولین و تنظیم گلوکز می‌باشد. یافته‌های مطالعه حاضر اختلاف معناداری در میزان وزن، نمایه توده بدن و توده چربی احشایی در میان سطوح مختلف ANGPTL6 سرم نشان داد که با شواهد پیشین همخوانی داشت. شواهدی نشان می‌دهد که موش‌های ترنس ژنیک-Angptl6 با وجود دریافت رژیم نرمال و برابر با گروه کنترل، لاغرتر بوده و چربی زیرپوستی و احشایی کمتری در مقایسه با آنها دارند [۷]. سازوکار اصلی کاهش وزن در برخی مطالعات حیوانی با بهبود تطابق‌ترموژنر و نیز افزایش آنتی‌ژنر در عضلات اسکلتی توجیه شده است [۷]. سازوکار دیگر گزارش شده اتصال Angptl6 به گیرنده‌های میوسیت‌های C2C12 و افزایش فسفریلاسیون MAPK p38 است که منجر به افزایش پایداری و فعلی شدن پروتئین‌های PGC-1 می‌شود [۱۷، ۱۱].

یافته‌های حاصل از مطالعات بر روی موش‌های ترانس ژنیک-Angptl6 نشان داد که بیان ژن‌های کد کننده پروتئین‌های دخیل در مصرف انرژی در عضلات اسکلتی مانند α , PPAR γ , PPAR α و PGC-1 β و بافت چربی قهقهه‌ای مانند α , PPAR δ [β , PPAR α] و UCP2 و PGC-1 α افزایش می‌یابد [۷].

با توجه به جنبه درمانی حاصل از شواهد موجود در مورد پروتئین Angptl6، یافته‌های این مطالعه به طور معناداری وضعیت بهتر پروفایل چربی و غلظت انسولین را در سطوح بالاتر ANGPTL6 نشان می‌دهد.

محتمل‌ترین اندام هدف بالقوه برای Angptl6 عضله اسکلتی می‌باشد. بیان ژن‌های مصرف کننده انرژی مانند

مأخذ

1. Waine C. Obesity and type 2 diabetes. *British Nutrition Foundation Nutrition Bulletin* 2006; 31: 111-4.
2. Rutkowski J, Davis K, Scherer P. Mechanisms of obesity and related pathologies: the macro- and microcirculation of adipose tissue. *FEBS J* 2009; 276: 5738-46.
3. Pittas A, Joseph N, Greenberg A. Adipocytokines and insulin resistance. *J Clin Endocrinol Metab* 2004; 89: 447-52.
4. Oike Y, Akao M, Kubota Y, Suda T. Angiopoietin-like proteins: potential new targets for metabolic syndrome therapy. *Trends Mol Med* 2005; 11: 473-9.
5. Mirzaei K, Hosseini-Nezhad A, Javad Hosseinzadeh-Attar M, et al. Visfatin genotype may modify the insulin resistance and lipid profile in type 2 diabetes patients. *Minerva Endocrinol* 2009; 34: 273-9.
6. Oike Y, Akao M, Yasunaga K, et al. Angiopoietin-related growth factor antagonizes obesity and insulin resistance. *Nat Med* 2005; 11: 400-8.
7. George J. Angiopoietin-like proteins: another player in the metabolic field. *J Hepatol* 2006; 44:832-4.
8. Kitazawa M, Ohizumi Y, Oike Y, Hishinuma T, Hashimoto S. Angiopoietin-related growth factor suppresses gluconeogenesis through the Akt/forkhead box class O1-dependent pathway in hepatocytes. *J Pharmacol Exp Ther* 2007; 323: 787-93.
9. Legry V, Goumidi L, Huyvaert M, et al. Association between angiopoietin-like 6 [ANGPTL6] gene polymorphisms and metabolic syndrome-related phenotypes in the French MONICA Study. *Diabetes Metab* 2009; 35: 287-92.
10. Hato T, Tabata M, Oike Y. The role of angiopoietin-like proteins in angiogenesis and metabolism. *Trends Cardiovasc Med* 2008; 18:6 - 14.
11. Oike Y, Tabata M. Angiopoietin-like proteins--potential therapeutic targets for metabolic syndrome and cardiovascular disease. *Circ J* 2009; 73: 2192-7.
12. Oike Y, Ito Y, Maekawa H, et al. Angiopoietin-related growth factor [AGF] promotes angiogenesis. *Blood* 2004; 103: 3760-5.
13. Ebert T, Bachmann A, Lossner U, et al. Serum levels of angiopoietin-related growth factor in diabetes mellitus and chronic hemodialysis. *Metabolism* 2009; 58: 547 - 51.
14. Apfelbaum M, Bestsarron J, Lacatis D. Effect of caloric restriction and excessive caloric intake on energy expenditure. *Am J Clin Nutr* 1971; 24: 1405-9.
15. Connolly J, Romano T, Patruno M. Selections from current literature: effects of dieting and exercise on resting metabolic rate and implications for weight management. *Fam Pract* 1999; 16: 196-201.
16. Bosy-Westphal A, Müller M, Boschmann M, et al. Grade of adiposity affects the impact of fat mass on resting energy expenditure in women. *Br J Nutr* 2009; 101: 474-7.
17. Puigserver P, Spiegelman B. Peroxisome proliferator-activated receptor-gamma coactivator 1 alpha [PGC-1 alpha]: Transcriptional coactivator and metabolic regulator. *Endocr Rev* 2003; 24: 78 - 90.
18. Legry V, Goumidi L, Huyvaert M, et al. Association between angiopoietin-like 6 [ANGPTL6] gene polymorphisms and metabolic syndrome-related phenotypes in the French MONICA Study. *Diabetes Metab* 2009; 35: 287-92.